

# Réunion PhyloAlps #14

---

18/09/2018

## Participants

---

- Frédéric Boyer
- Bruno Bzeznik
- Eric Coissac
- Anthony Hombiat

## Intégration continue

**Dockerisation** du projet PhyloAlps :

- Réfléchir au degré de granularité pour le découpage en container
- Développer tests unitaires, fonctionnels et de non régression
- Elaborer un jeu de données test
- Gérer les différentes versions de la base de données

## Exploration des échantillons via la taxonomie

- La taxonomie de référence est celle du NCBI
- Faire le lien avec les autres référentiels taxonomiques
- Filtrer/Différencier les taxa selon qu'il existe ou non des échantillons rattachés

## Annotations

3 types d'annotations :

- `MessageAuto` : message généré automatiquement sur un assemblage d'ADN
- `MessageManual` : message laissé par un expert sur un objet lié à l'échantillonnage ou à la génomique
- `MessageStatus` : message laissé par un expert justifiant de la validation ou bien du rejet d'un objet lié à l'échantillonnage ou à la génomique

Les `MessageAuto` et `MessageManual` possède un degré de sévérité à 3 niveaux : `INFO` , `WARNING` ou `ERROR`

Les `MessageManual` et `MessageStatus` possède un attribut indiquant la version de la base de données

Les `MessageManual` et `MessageStatus` sont liés à un compte utilisateur PhyloAlps

## Intégration du règne animal

Généraliser le nom des concepts liés aux plantes pour englober le règne animal :

- `Herbarium` -> `Collection`
- `Herbpress` -> `Specimen`