

Réunion PhyloAlps #11

29/01/2018

Participants

- Martí Boleda
- Frédéric Boyer
- Eric Coissac
- Rolland Douzet
- Anthony Hombiat
- Sébastien Lavergne
- Christophe Perrier
- Maxime Rome
- Cristina Roquet-Ruíz

Fichiers séquence

Localisation des fichiers séquence sur Luke : `/bettik/LECA/phyloskims/data` :

- `prereleases/` : version des séquences modifiable, étape préalable à la publication des données
- `releases/` : contiennent les dossiers correspondant aux différentes versions des données publiées
- `release/goodies/` : fichiers générés à partir des fichiers séquence stables (dossier privé)

Identification des fichiers séquence :

- 3 lettres majuscules correspondant au nom du projet,
- 6 chiffres correspondant au labID

Exemples : `CAR000510` , `PHA000490`

Parts d'herbier

Numérisation de part d'herbier sur demande : créer une adresse mail de contact dédiée

Délivrables

Pour chaque délivrable :

- Générer un diff/changelog entre chaque release
- Vérifier la validité des taxID du NCBI
- Mettre à jour en cas de lien cassé :
 - suppression
 - remplacement
 - taxID réservé mais pas encore rendu public

TODO

- Ouvrir la machine virtuelle vers l'extérieur sur le port 80 (dgdsi-securite@univ-grenoble-alpes.fr)
- Générer certificat SSL pour connexion sécurisée en HTTPS (letsencrypt.org)
- Câbler l'interface d'édition avec la base de données
- Monter le système de fichiers des séquences depuis Luke sur la machine virtuelle
- Intégrer l'information taxonomique à l'interface
- Intégrer les modifications de Martí dans la base de données