

Réunion PhyloAlps #2

14/03/2017

Participants

- Roland Douzet
- Christophe Perrier
- Eric Coissac
- Frédéric Boyer
- Sébastien Lavergne
- Anthony Hombiat

Sources de données

- FloraAlpina version numérique exploitable voir avec Marty ou Sébastien
- [NEWT](#) : référentiel taxonomique utilisé par SwissProt et EMBL, diffère un peu de la taxo du NCBI
- Si un TaxId existe dans les référentiels taxonomiques NEWT et NCBI c'est le même.
- DDBJ WABI copyright ? Etonnant puisqu'il s'agit des mêmes données que celles du NCBI/EMBL
- [TaxRef](#) est un autre référentiel taxonomique utilisé en France
- La discussion avec TelaBotanica peut être initiée avec Daniel Mathieu
- Sources de données Androsace : CBN, Roland, terrain. Chaque source est indiquée, sa disponibilité peut être retrouvée
- Une part d'herbier = échantillon d'une collecte
 - Localisation (!\ différents degrés de précision)
 - Photo
 - Nomenclature (!\ différente selon la date à laquelle elle a été apposée)
 - Date (!\ différents degrés de précision)
- Expliquer les différentes licences qui régissent la disponibilité des données (CC, ODbL, etc.)

Modèle de données

- Extraire du concept `Sample` le concept `HerbariumSpecimen`
- Etoffer le concept `DNasequence`
- 3 types de données géographiques :
 - échantillon : observation ponctuelle séquence ou photo
 - occurrences : observation
 - aire de répartition
- Voir le système de maillage géographique hiérarchique administrativo-écologique utilisé par l'UNESCO
- Raffiner le concept `User` en différents rôles :
 - `Curator` : responsable de collection
- Renommer le concept `TaxId` en `Taxon`
- Photos associées au concept `HerbariumSpecimen` mais également au concept `Taxon`
- Les traits phenotypic doivent être associés au concept `Taxon`

Cas d'utilisation

- Recherche d'ADN chloroplastique de haute qualité d'un taxon
- Recherche d'ADN ribosomique de haute qualité sur telle zone géographique

TODO

- Modèles, méthodes et outils pour l'utilisation conjointe des référentiels taxonomiques du NCBI et de PlantList
 - Modèle de représentation d'une taxonomie (sous la forme d'un graphe)
 - Méthode de mapping (au moyen de matchers d'ontologies ?)
- Mise en place d'un site Web statique sur le domaine phyloalps.org pour présenter le projet